Molekularbiologische Charakterisierung von Trichophyton rubrum und Trichophyton interdigitale isoliert von Patienten mit Onychomykose – Identifizierung der Dermatophyten mit PCR und Sequenzierung der ITS-Region der rRNA sowie MALDI-TOF Massenspektroskopie

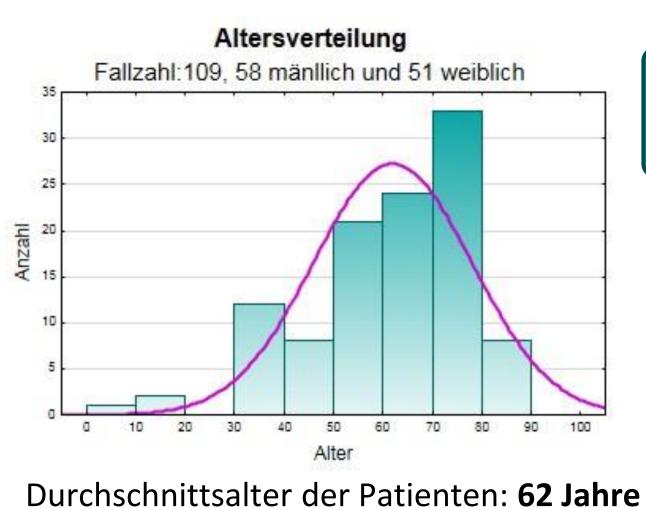
Mehlhorn C.<sup>1</sup>, Uhrlaß S.<sup>1</sup>, Schroedl W.<sup>2</sup>, Bartosch T.<sup>2</sup>, Maier T.<sup>3</sup>, Krüger C.<sup>1</sup>, Paasch U.<sup>4</sup>, Simon J.-C.<sup>4</sup>, Nenoff P.<sup>1</sup>

- <sup>1</sup>Labor für medizinische Mikrobiologie, Partnerschaft Dr. C. Krüger & Prof. P. Nenoff, Mölbis
- <sup>2</sup>Veterinärmedizinische Fakultät, Universität Leipzig, Institut für Bakteriologie und Mykologie, Leipzig
- <sup>3</sup>Bruker Daltonik GmbH, Microbiological Laboratory/R&D Bioanalytics, Bremen
- <sup>4</sup>Universitätsklinikum Leipzig AöR und Medizinische Fakultät der Universität Leipzig, Klinik und Poliklinik für Dermatologie, Venerologie und Allergologie, Leipzig

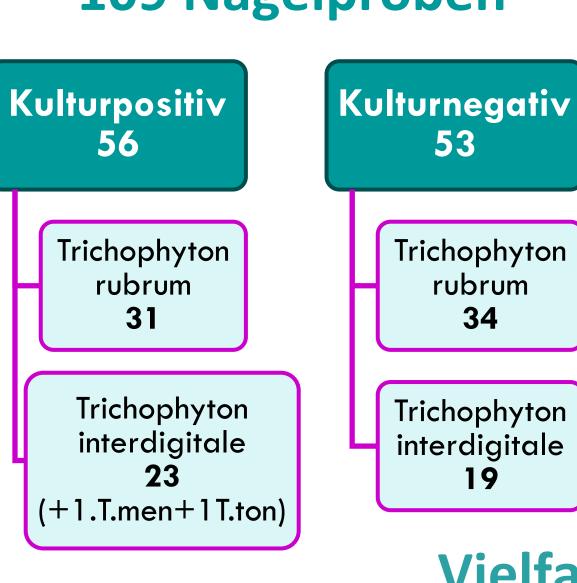
#### Fragestellung

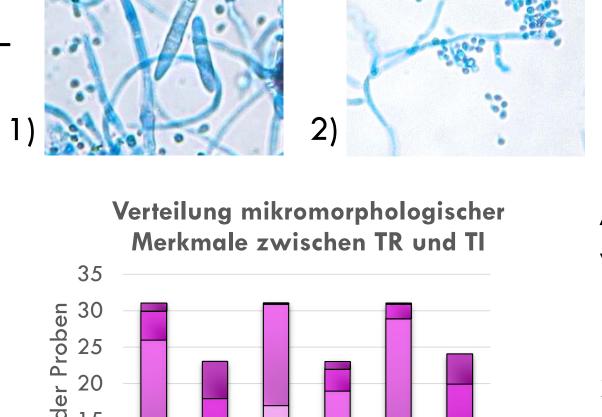
Die Diagnostik der Onychomykose mit Nativpräparat und Pilzkulturen wird heute durch molekularbiologische Methoden ergänzt. Die Validität des molekularbiologischen Dermatophyten-DNA-Nachweises direkt im Nagelmaterial mit PCR wurde mit molekularen Methoden überprüft.

#### **Patientenkollektiv:**

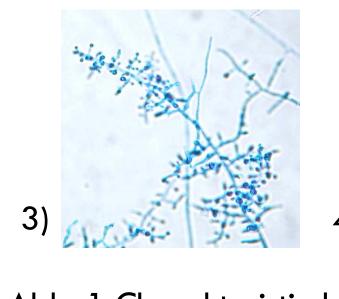


# 109 Nagelproben





■keine ■wenig ■mäßig



Mikroskopie und Nativpräparat

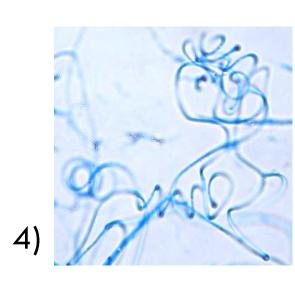
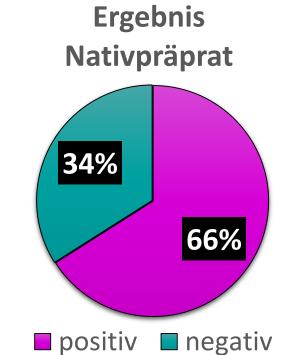


Abb. 1 Charakteristische Mikromorphologie von Trichophyton interdigitale: 1) zylinderförmige

- Makrokonidien 2) Mikrokonidien (Botrytisform)
- 3) Mikrokonidien (baumartig
- verzweigt) 4) Spiralhyphen



wattig/wollig/ flauschig granulär/pudrig/ gipsig gemischtes

Kolonietextur

Kultur

Luftmyzelpigmentierung

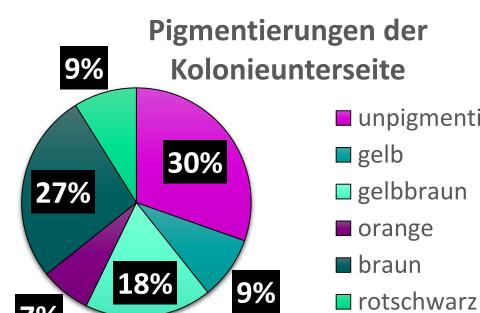
■ weiß

■ weiß/

■ weiß/ creme

bräunlich - rosa

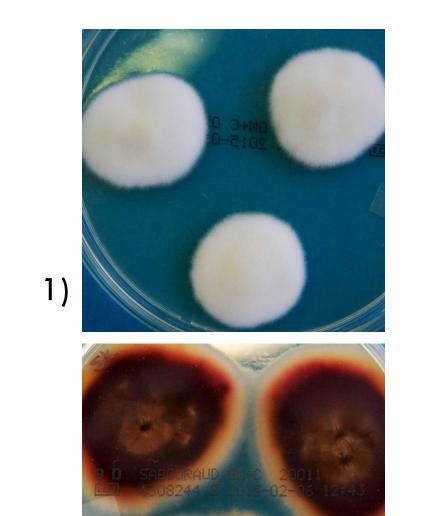
Wachstum

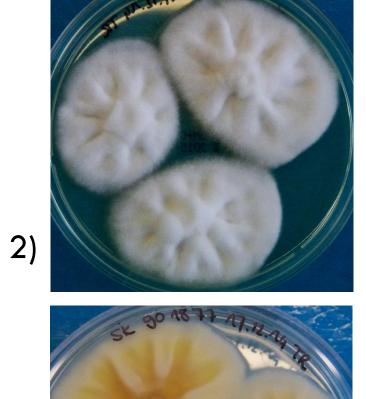


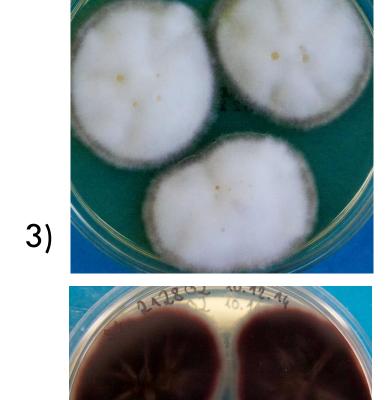
34%

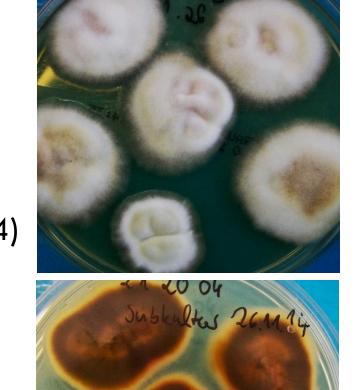


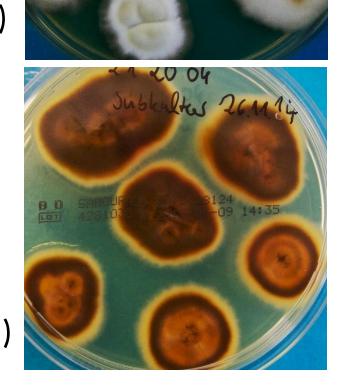
# Vielfalt der Dermatophytenkulturen







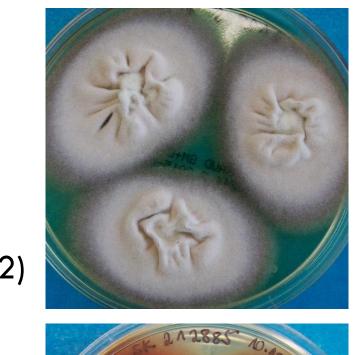






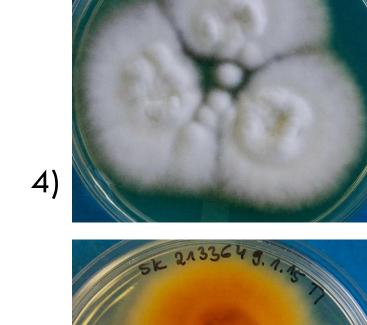


100%









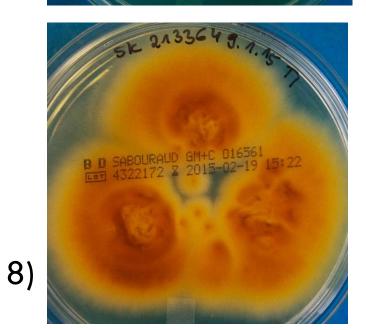


Abb. 3 Vorder (1-4) - und Rückseiten (5-8) ausgewählter Kulturen von Trichophyton rubrum auf Sabouraudagar

Abb. 4 Vorder (1-4) - und Rückseiten (5-8) ausgewählter Kulturen von Trichophyton interdigitale auf Sabouraudagar

### Methoden

→ Material: 109 Nagelproben, TR oder TI mit Kultur und/oder PCR nachweisbar

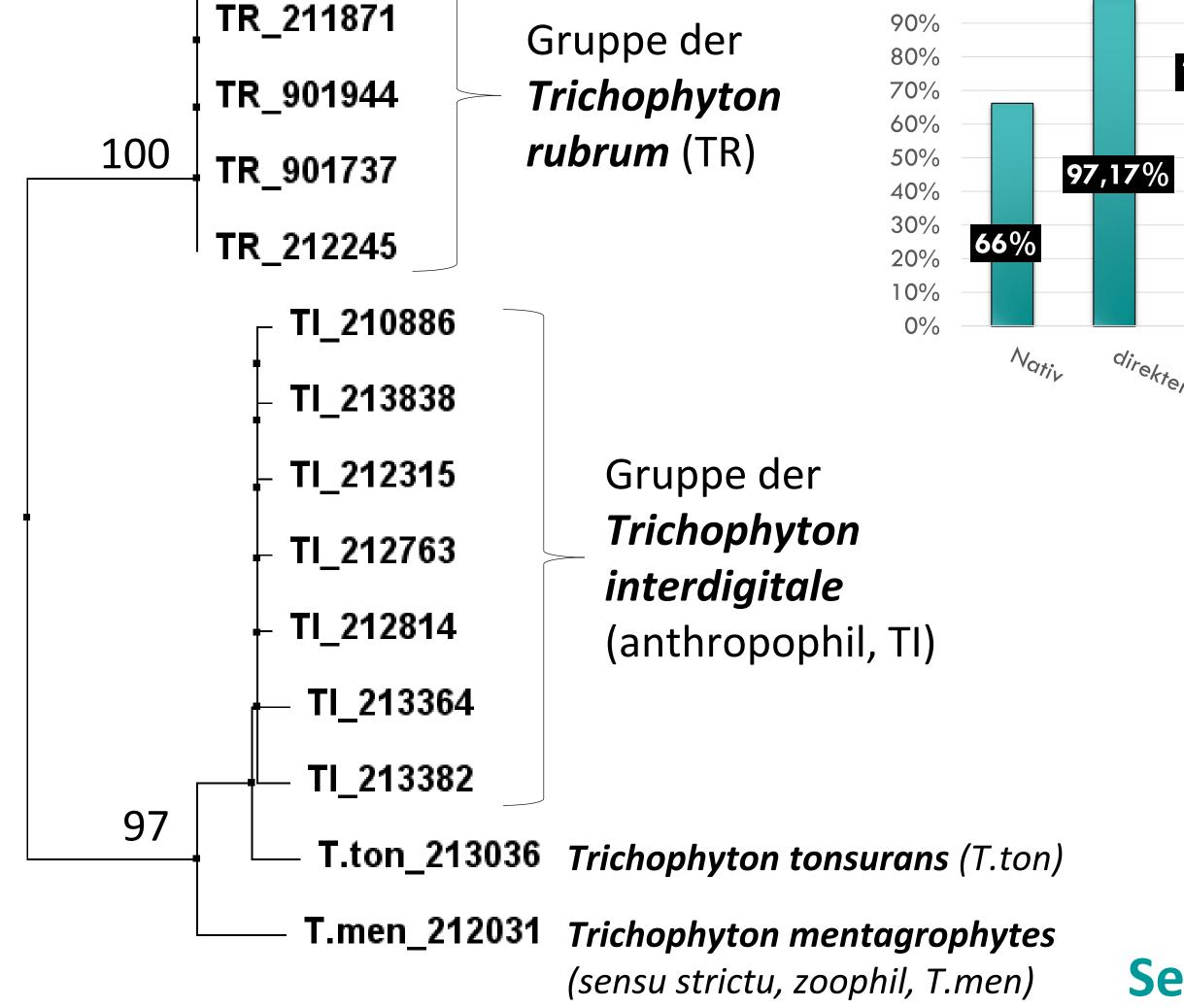
→ konventionell: Blancophor-Präparat und kulturelle Diagnostik

→ molekularbiologisch: PCR-ELISA und Sequenzierung der Dermatophyten-ITS-Region (18S rRNA, ITS1, 5.8S rRNA, ITS2, 28S rRNA)

→ zusätzlich: Analyse mit Matrix-Assisted Laser Desorption/Ionisation Time-Of-Flight Massenspektrometrie (MALDI-TOF MS)

# Phylogenie ITS 2-Region rRNA

TR\_200080

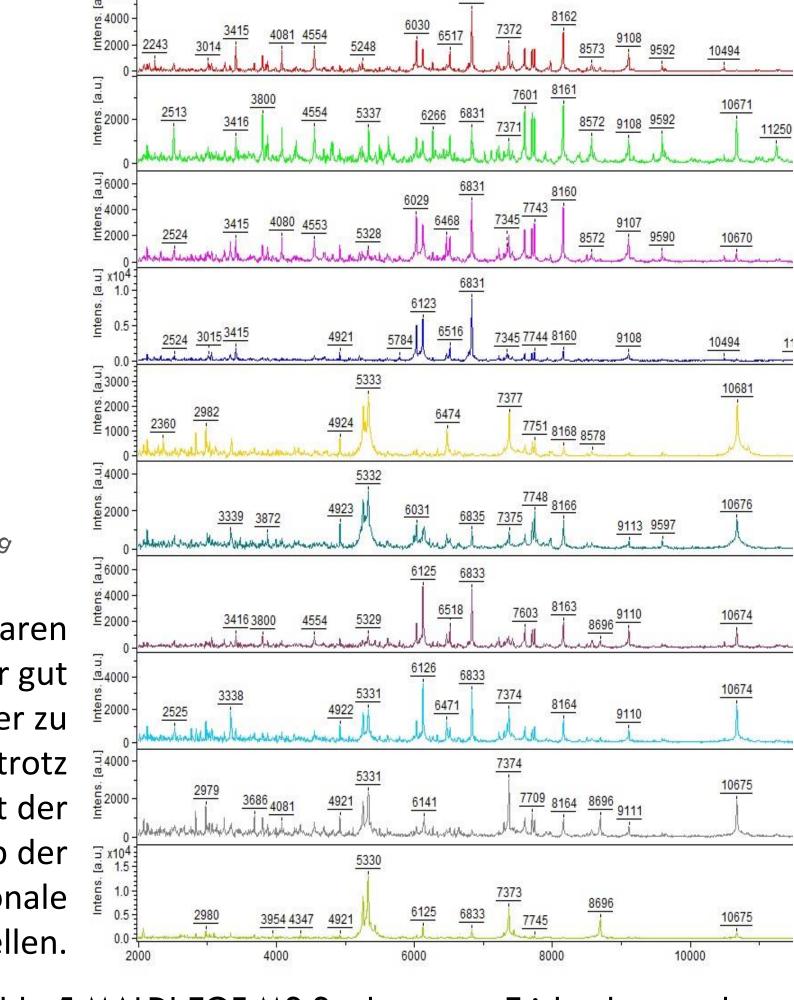


**Ergebnisse** 

Vergleich der verschiedenen Methoden

zur Dermatophytenbestimmung

100%



**MALDI-TOF MS** 

Mit MALDI-TOF MS waren TR und TI sehr gut voneinander zu unterscheiden, trotz 34000 großer Ähnlichkeit der Spektren. Innerhalb der 3 x104 Spezies ließen sich klonale Unterschiede feststellen.

99,08%

95,24%

Abb. 5 MALDI-TOF MS Spektren von Trichophyton rubrum

## Schlussfolgerung

Die molekularen Methoden sind sehr gut geeignet, die Dermatophyten bei Onychomykose direkt im Nagelmaterial, ohne vorherige Kultivierung, mit hoher Zuverlässigkeit zu identifizieren. Insbesondere bei Kultur-negativen Proben hat sich die PCR zum DNA-Dermatophyten-Nachweis als eine hochspezifische und empfindliche Methode erwiesen.

Abb. 4 Phylogenetischer Baum (Neighbor-Joining Methode, Jalview 2.9, Bootstrap-Werte kalkuliert mit MEGA)

> Abb. 6 Ausschnitte des Multiplen Alignments der ITS 2-Region der rRNA (Jalview 2.9), identische Säulen nicht gezeigt

#### Sequenzierung der ITS 2-Region rRNA

